

薬生薬審発 0807 第 2 号
令和 5 年 8 月 7 日

各都道府県衛生主管部（局）長 殿

厚生労働省医薬・生活衛生局医薬品審査管理課長
（ 公 印 省 略 ）

医薬品の一般的名称について

標記については、「医薬品の一般的名称の取扱いについて（平成 18 年 3 月 31 日薬食発第 0331001 号厚生労働省医薬食品局長通知）」等により取り扱っているところです。今般、我が国における医薬品の一般的名称（以下「JAN」という。）について、新たに別添のとおり定めたので、御了知の上、貴管下関係業者に周知方よろしく御配慮願います。

（参照）

「日本医薬品一般的名称データベース」<https://jpdb.nihs.go.jp/jan/Default.aspx>
（別添の情報のうち、JAN 以外の最新の情報は、当該データベースの情報で対応することとしています。）

(別表1) INNとの整合性が図られる可能性のあるもの

(平成18年3月31日薬食審査発第0331001号厚生労働省医薬食品局審査管理課長通知に示す別表1)

登録番号 305-2-A2

JAN (日本名) : ラクストジナメラン

JAN (英名) : Raxtozinameran

核酸配列

GAGAAAYAAAC YAGYAYYCY YAGYAYYCY CYGGYCCCCA CAGACYCAGA GAGAACCCGC 50
 CACCAYGYCC GYGYCCYGG YGCGYCYGCC YCYGGYGYCC AGCCAGYGYG 100
 YGAACCYGAY CACCAGAACA CAGYCAAYCA CCAACAGCY YACCAGAGGC 150
 GYGYACYACC CCGACAAGGY GYCCAGAYCC AGCGYCYGC ACYCYACCCA 200
 GGACCYGYCC CYGCCYYCY YCAGCAACGY GACCYGGYCC CACGCCAYCC 250
 ACGYGYCCGG CACCAAYGGC ACCAAGAGAY YCGACAACCC CGCCCYGCCC 300
 YYCAACGACG GGGYGYACY YGCCAGCACC GAGAAGYCCA ACAYCAYCAG 350
 AGGCYGGAYC YYCGGCACCA CACYGGACAG CAAGACCCAG AGCCYGCYGA 400
 YCGYGAACAA CGCCACCAAC GYGGYCAAYCA AAGYGYGCGA GYYCCAGYCC 450
 YGCAACGACC CCYYCCYGGG CGYCYACCAG AAGAACAACA AGAGCYGGAY 500
 GGAAAGCGAG YYCCGGGYGY ACAGCAGCGC CAACAACYGC ACCYYCGAGY 550
 ACGYGYCCCA GCCYYYCCYG AYGGACCYGG AAGGCAAGGA GGGCAACYCC 600
 AAGAACCYGC GCGAGYCYG GYYYAAGAAC AYCGACGGCY ACYYCAAGAY 650
 CYACAGCAAG CACACCCCYA YCAACCYCGA GCGGGAYCYG CCYCAGGGCY 700
 YCYCYGCYCY GGAACCCCYG GYGGAYCYGC CCAYCGGCAY CAACAYCACC 750
 CGGYYCAGCA CACYGCGGC CCYGCACAGA AGCYACCYGA CACCYGYGGA 800
 YAGCAGCAGC GGAYGGACAG CYGGYGCCGC CGCYACYAY GYGGGAYACC 850
 YGCAGCCYAG AACCYYCCYG CYGAAGYACA ACGAGAACGG CACCAYCACC 900
 GACGCCGYGG AYYGYGCYCY GGAYCCYCYG AGCGAGACAA AGYGCACCCY 950
 GAAGYCCYCC ACCGYGGAAA AGGGCAYCYA CCAGACCAGC AACYYCCGGG 1000
 YGCAGCCAC CGAAYCCAYC GYCGGGYCC CCAAYAYCAC CAAYCYGYGC 1050
 CCCYYCCACG AGGYGYCAA YGCCACCACC YCGCCYCYG YGYACGCCYG 1100
 GAACCGGAAG CGGAYCAGCA AYYGCGYGGC CGACYACYCC GYGAYCYACA 1150
 ACYYCGCCCC CYYCYCGCA YYCAAGYCYG ACGGCGYGYC CCCYACCAAG 1200
 CYGAACGACC YGYGCYCAC AAACGYGYAC GCCGACAGCY YCGYAYCCG 1250
 GGGAAACGAA GYGYCACAGA YGCCCCYGG ACAGACAGGC AACAYCGCCG 1300
 ACYACAACYA CAAGCYGCC GACGACYCA CCGGCGYGYG GAYYGCCYGG 1350
 AACAGCAACA AGCYGGACYC CAAACCAGC GGCAACYACA AYYACCYGYA 1400
 CCGGCYGYCC CGGAAGYCCA AGCYGAAGCC CYCGAGCGG GACAYCYCCA 1450
 CCGAGAYCYA YCAGGCCGGC AACAAGCCY GYAACGGCGY GGCAGGCCCC 1500
 AACYGCYACA GCCCACYGCA GYCCYACGGC YYYAGGCCCA CAYACGGCGY 1550
 GGGCCACCAG CCCYACAGAG YGGYGGYCY GAGCYCYGAA CYGCGAYG 1600

CCCCYGCCAC AGYGYGCGGC CCYAAGAAAA GCACCAAYCY CGYGAAGAAC 1650
AAAYGCGYGA ACYYCAACY CAACGGCCYG ACCGGCACCG GCGYGCYGAC 1700
AGAGAGCAAC AAGAAGYYCC YGCCAYYCCA GCAGYYYGCC CGGGAYAYCG 1750
CCGAYACCAC AGACGCCGY AGAGAYCCCC AGACACYGGA AAYCCYGGAC 1800
AYCACCCCY GCAGCYYCGG CGGAGYGYCY GYGAYCACCC CYGGCACCAA 1850
CACCAGCAAY CAGGYGGCAG YGCGYACCA GGGCGYGAAC YGYACCGAAG 1900
YGCCCGYGGC CAYYCACGCC GAYCAGCYGA CACCYACAYG GCGGGYGYAC 1950
YCCACCGGCA GCAAYGYGY YCAGACCAGA GCCGGCYGYC YGAYCGGAGC 2000
CGAGYACGYG AACAAAYAGCY ACGAGYCGCA CAYCCCCAYC GGCGCYGGAA 2050
YCYGCGCCAG CYACCAGACA CAGACAAAGA GCCACCGGAG AGCCAGAAGC 2100
GYGGCCAGCC AGAGCAYCAY YGCCYACACA AYGYCYCYGG GCGCCGAGAA 2150
CAGCGYGGCC YACYCCAACA ACYCYAYCGC YAYCCCACC AACYYCACCA 2200
YCAGCGYGAC CACAGAGAYC CYGCCYGYGY CCAYGACCAA GACCAGCGYG 2250
GACYGCACCA YGYACAYCYG CGGCGAYYCC ACCGAGYGYC CCAACCYGYC 2300
GCGYGCAGYAC GGCAGCYCYC GCACCCAGCY GAAAAGAGCC CYGACAGGGA 2350
YCGCCGYGGA ACAGGACAAG AACACCCAAG AGGYGYCGC CCAAGYGAAG 2400
CAGAYCYACA AGACCCYCC YAYCAAGYAC YCGGCGGCY YCAAYYCYCAG 2450
CCAGAYYCYG CCCGAYCCYA GCAAGCCAG CAAGCGGAGC YYCAYCGAGG 2500
ACCYGCYGY CAACAAAGY ACACYGGCCG ACGCCGGCYC CAYCAAGCAG 2550
YAYGGCGAYY GYCYGGGCGA CAYYGCCGCC AGGGAYCYGA YYYGCGCCCA 2600
GAAGYYAAC GGACYGACAG YGCGCCYCC YCYGCYGACC GAYGAGAYGA 2650
YCGCCAGYA CACAYCYGCC CYGCGGCCG GCACAAYCAC AAGCGGCYGG 2700
ACAYYYGGAG CAGGCGCCG YCYGCAGAY CCCYYYGCYA YGCAGAYGGC 2750
CYACCGYYC AACGGCAYCG GAGYGACCCA GAAYGYGYC YACGAGAACC 2800
AGAAGCYGAY CGCCAACCAG YYCAACAGCG CCAYCGGCAA GAYCCAGGAC 2850
AGCCYAGCA GCACAGCAAG CGCCYGGGA AAGCYGCAGG ACGYGGYCAA 2900
CCACAAYGCC CAGGCACYGA ACACCCYGGY CAAGCAGCYG YCCYCCAAGY 2950
YCGGCGCCAY CAGCYCYGY CYGAACGAYA YCCYAGCAG ACYGGACCCY 3000
CCYAGGCGG AGGYGCAGAY CGACAGACYG AYCACAGGCA GACYGCAGAG 3050
CCYCCAGACA YACGYGACCC AGCAGCYGAY CAGAGCCGCC GAGAYYAGAG 3100
CCYCYGCCAA YCYGGCCGCC ACCAAGAYGY CYGAGYGYG GYGGGCCAG 3150
AGCAAGAGAG YGGACYYYYG CGGCAAGGGC YACCACCYGA YGAGCYYCCC 3200
YCAGYCYGCC CCYACGGCG YGGYGYYYCY GCACGYGACA YAYGYGCCC 3250
CYCAAGAGAA GAAYYCYACC ACCGCYCCAG CCAYCYGCAA CGACGGCAA 3300
GCCCACYYYC CYAGAGAAGG CGYGYCYGY YCCAACGGCA CCCAYYGGY 3350
CGYACACAG CGGAACYCY ACGAGCCCCA GAYCAYCACC ACCGACAACA 3400
CCYCYGYGY YGGCAACYGC GACGYCYGA YCGGCAYYGY GAACAAYACC 3450
GYGYACGACC CYCYGCAGCC CGAGCYGGAC AGCYCAAAG AGGAACYGGA 3500
CAAGYACYYY AAGAACCACA CAAGCCCCGA CGYGGACCYG GGCGAYAYCA 3550
GCGGAAYCAA YGCCAGCGY GYGAACAYCC AGAAAGAGAY CGACCGCYG 3600
AACGAGGYGG CCAAGAAYCY GAACGAGAGC CYGAYCGACC YGCAAGAACY 3650

```

GGGGAAGYAC GAGCAGYACA YCAAGYGGCC CYGGYACAYC YGGCYGGGCY 3700
YYAYCGCCGG ACYGAYYGCC AYCGYGAYGG YCACAAYCAY GCYGYGYGC 3750
AYGACCAGCY GCYGYAGCYG CCYGAAGGGC YGYGYAGCY GYGGCAGCYG 3800
CYGCAAGYYC GACGAGGACG AYYCYGAGCC CGYGCYGAAG GGCGYGAAAC 3850
YGCACYACAC AYGAYGACYC GAGCYGGYAC YGCAYGCACG CAAYGCYAGC 3900
YGCCCCYYC CCGYCCYGGG YACCCCGAGY CYCCCCGAC CYCGGGYCCC 3950
AGGYAYGCYC CCACCYCCAC CYGCCCCACY CACCACCYCY GCYAGYYCCA 4000
GACACCYCCC AAGCACGCAG CAAYGCAGCY CAAAACGCY Y AGCCYAGCCA 4050
CACCCACG GAAACAGCA GYGAYYAACC YYYAGCAAYA AACGAAAGYY 4100
YAACYAAGCY AYACYAACCC CAGGGYGGY CAAYYCGYG CCAGCCACAC 4150
CCYGGAGCYA GCAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAGCAYAYGA 4200
CYAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA 4250
AAAAAAAAA AAAAAAAAAA AA 4272

```

A = アデノシン ; C = シチジン ; G = グアノシン ; Y = N¹-メチルシュードウリジン

1-3 : 5'キャップ構造部分

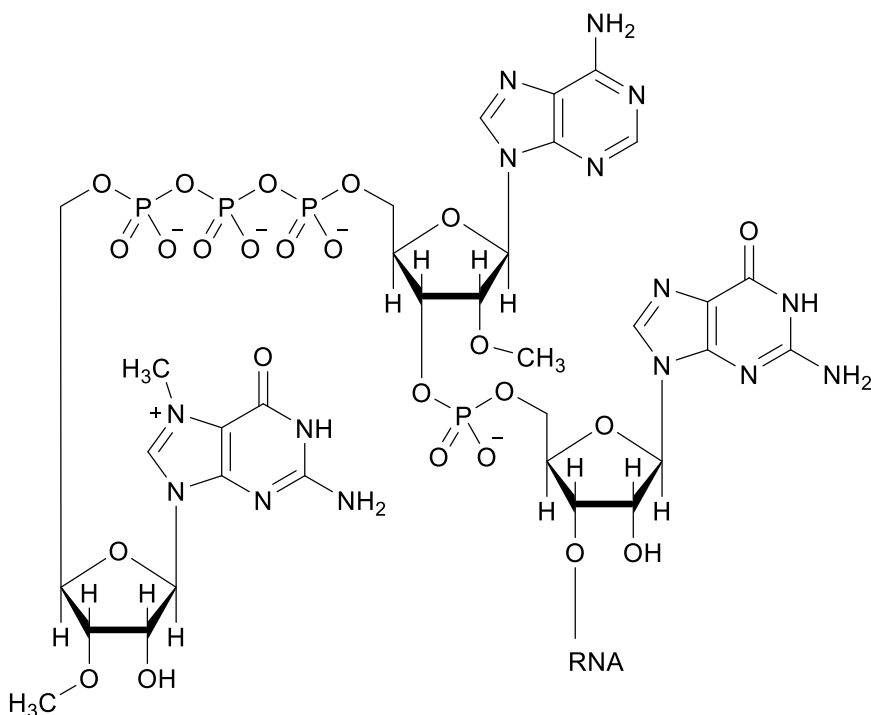
4-54 : 5'非翻訳領域 (15-48 : ヒトαグロビン遺伝子5'非翻訳領域由来の配列)

55-3867 : 翻訳領域 (55-57 : 開始コドン ; 58-102 : SARS-CoV-2 スパイクタンパク質のシグナルペプチド ; 3862-3867 : 終止コドン)

3868-4162 : 3'非翻訳領域 (ヒト amino-terminal enhancer of split (AES) 遺伝子及びミトコンドリア12SリボソームRNA由来の配列)

4163-4272 : ポリ A 転写スリップ

5'キャップ構造部分



ラクストジナメランは、SARS-CoV-2のXBB.1.5系統の変異株（オミクロン株）のスパイクタンパク質類縁体（K982P, V983P）全長をコードするmRNAである。ラクストジナメランは、5'キャップ構造及びポリA配列を含み、全てのウリジン残基がN¹-メチルシュードウリジン残基に置換された、4272個のヌクレオチド残基からなる1本鎖RNAである。

Raxtozinameran is a mRNA encoding full length of spike protein analog (K982P, V983P) of SARS-CoV-2 (Omicron variant, XBB.1.5). Raxtozinameran is a single-stranded RNA consisting of 4272 nucleotide residues including the 5' cap structure and poly A sequence in which all uridine residues are replaced by N¹-methylpseudouridine residues.

登録番号 305-2-A4

JAN (日本名) : アンデュソメラン

JAN (英名) : Andusomeran

核酸配列

GGGAAAYAA	GAGAGAAAAG	AAGAGYAAGA	AGAAAYAYAA	GACCCCGGCG	50
CCGCCACCAY	GYYCGYGYC	CYGGYGICYC	YGCCCCYGGY	GAGCAGCCAG	100
YGCGYGAACC	YGAYCACCCG	GACCCAGAGC	YACACCAACA	GCYYCACCCG	150
GGGCGYCYAC	YACCCCGACA	AGGYGYCCG	GAGCAGCGYC	CYGCACAGCA	200
CCCAGGACCY	GYCCYGCCC	YYCYCAGCA	ACGYGACCYG	GYCCACGCC	250
AYCCACGYGA	GCGGCACCAA	CGGCACCAAG	CGGYCGACA	ACCCCGCCY	300
GCCCYCAAC	GACGGCGYGY	ACYCGCCAG	CACCGAGAAG	AGCAACAYCA	350
YCCGGGGCYG	GAYCYCGGC	ACCACCCYGG	ACAGCAAGAC	CCAGAGCCY	400
CYGAYCGYGA	AYAACGCCAC	CAACGYGGY	AYCAAGGYGY	GCGAGYCCA	450
GYCYGCAAC	GACCCCYCC	YGGACGYGYA	CCAGAAGAAC	AACAAGAGCY	500
GGAYGGAGAG	CGAGYCCGG	GYGYACAGCA	GCGCCAACAA	CYGCACCYYC	550
GAGYACGYGA	GCCAGCCCY	CCYGAYGGAC	CYGGAGGGCA	AGGAGGGCAA	600
CYYCAAGAAC	CYGCGGGAGY	YCGYGYCAA	GAACAYCGAC	GGCYACYCA	650
AGAYCYACAG	CAAGCACACC	CCAAYCAACC	YGGAGCGGGA	YCYGCCCCAG	700
GGCYCYCAG	CCCYGGAGCC	CCYGGYGGAC	CYGCCAYCG	GCAYCAACAY	750
CACCCGGYYC	CAGACCCYGC	YGGCCYGCA	CCGGAGCYAC	CYGACCCAG	800
YGGACAGCAG	CAGCGGGYGG	ACAGCAGGCG	CGCYGCYYA	CYACGYGGGC	850
YACCYGCAGC	CCCGGACCYY	CCYGCYGAAG	YACAACGAGA	ACGGCACCA	900
CACCGACGCC	GYGGACYGCG	CCYGGACCC	YCYGAGCGAG	ACYAAGYGCA	950
CCCYGAAGAG	CYYCACCGYG	GAGAAGGGCA	YCYACCAGAC	CAGCAACYC	1000
CGGGYGCAGC	CCACCGAGAG	CAYCGYCGG	YYCCCCAACA	YACCAACCY	1050
YGCCCCYYC	CACGAGGYGY	YCAACGCCAC	CACCYCGCC	AGCGYGYACG	1100
CCYGAACCG	GAAGCGGAYC	AGCAACYGCG	YGGCCGACYA	CAGCGYGAYC	1150
YACAACYCG	CCCCAYCY	CGCCYCAAG	YGCYACGGCG	YGAGCCCCAC	1200
CAAGCYGAAC	GACCYGYG	YACCAACGY	GYACCCGAC	AGCYCGYGA	1250
YCCGYGGCAA	CGAGGYGAGC	CAGAYCGCAC	CCGGCCAGAC	AGGCAACAYC	1300
GCCGACYACA	ACYACAAGCY	GCCCGACGAC	YYCACCGCY	GCGYGAYCGC	1350
CYGGAACAGC	AACAAGCYCG	ACAGCAAGCC	CAGCGGCAAC	YACAACYACC	1400
YGACCGGCY	GYCCGGAAG	AGCAAGCYGA	AGCCCYCGA	GCGGGACAYC	1450
AGCACCGAGA	YCYACCAAGC	CGGCAACAAG	CCYYGCAACG	GCGYGGCCGG	1500
CCCCAACYGC	YACAGCCCYC	YGCAGAGCYA	CGCYCCGG	CCCACCYACG	1550
GCGYGGGCCA	CCAGCCCYAC	CGGGYGGYGG	YGCYGAGCY	CGAGCYG	1600
CACGCCCCAG	CCACCGYGYG	YGGCCCCAAG	AAGAGCACCA	ACCYGGYGAA	1650
GAACAAGYGC	GYGAACYCA	ACYCAACGG	CCYACCGGC	ACCGCGYGC	1700
YGACCGAGAG	CAACAAGAAA	YYCCYGCCY	YYCAGCAGY	CGGCCGGGAC	1750
AYCGCCGACA	CCACCGACGC	YGYGCGGGAY	CCCCAGACCC	YGGAGAYCCY	1800

GGACAYCACC	CCYYGCAGCY	YCGGCGGCGY	GAGCGYGAYC	ACCCAGGCA	1850
CCAACACCAG	CAACCAGGYG	GCCGYGCIYGY	ACCAGGGCGY	GAACYGCACC	1900
GAGGYGCCCC	YGGCCAYCCA	CGCCGACCAG	CYGACACCCA	CCYGGCGGGY	1950
CYACAGCACC	GGCAGCAACG	YGYCCAGAC	CCGGGCCGGY	YGCCYGAYCG	2000
GCGCCGAGYA	CGYGAACAAC	AGCYACGAGY	GCGACAYCCC	CAYCGGCGCC	2050
GGCAYCIYGY	CCAGCIYACCA	GACCCAGACC	AAGCIYACACC	GGAGGGCAAG	2100
GAGCGYGGCC	AGCCAGAGCA	YCIYCGCCYA	CACCIYAGAGC	CYGGGCGCCG	2150
AGAACAGCGY	GGCCYACAGC	AACAACAGCA	YCGCCAYCCC	CACCAACIYIC	2200
ACCAYCAGCG	YGACCACCGA	GAYCIYGCC	GYGAGCIYGA	CCAAGACCAG	2250
CGYGGACIYGC	ACCAYGIYACA	YCIYCGGCGA	CAGCACCGAG	YGCAGCAACC	2300
YGIYGCYGA	GIYACGGCAGC	YIYCIYCACCC	AGCIYGAAGCG	GGCCCIYAGCC	2350
GGCAYCGCCG	YGGAGCAGGA	CAAGAACACC	CAGGAGGIYGY	YCGCCAGGIY	2400
GAAGCAGAYC	YACAAGACCC	CIYCCCIYCAA	GIYACIYCGGC	GGCIYCAACIY	2450
YCAGCCAGAY	CCYGCCCGAC	CCCAGCAAGC	CCAGCAAGCG	GAGCIYCIYAYC	2500
GAGGACCIYGC	YGIYCAACAA	GGYACCCYA	GCCGACGCCG	GCYIYCIYCAA	2550
GCAGYACGGC	GACIYGCCIYCG	GCGACAIYAGC	CGCCCGGGAC	CIYGAIYCIYCGC	2600
CCCAGAAGIYIY	CAACGGCCIYIY	ACCGIYGCYGC	CIYCCCCIYGCY	GACCGACGAG	2650
AYGAIYCGCCC	AGYACACCAG	CGCCCIYGIYIY	GCCGGAACCA	YCACCCAGCGG	2700
CIYGGACIYIYIY	GGCGCIYGGAG	CCGIYCIYGCA	GAIYCCCCIYIY	GCCAIYGCAGA	2750
YGGCCIYACCG	GIYCAACGGC	AIYCGGCIYGA	CCCAGAACGIY	GCYGIYACGAG	2800
AACCAGAAGC	YGAIYCGCCAA	CCAGIYIYCAAC	AGCGCCAIYCG	GCAAGAIYCCA	2850
GGACAGCCIYIY	AGCAGCACCG	CIYAGCGCCCIY	GGGCAAGCIYIY	CAGGACGIYGG	2900
YGAACCACAA	CGCCAGGCC	CIYGAACACCC	YGGYGAAGCA	GCYGAGCAGC	2950
AAGIYCGGCG	CCAIYACAGCAG	CGYGCYGAAC	GACAIYCCIYGA	GCCGGCIYGGA	3000
CCCIYCCCGAG	GCCGAGGIYGC	AGAIYCGACCG	GCYGAIYCACIY	GGCCGGCIYGC	3050
AGAGCCIYGCA	GACCIYACGIYIY	ACCCAGCAGC	YGAIYCCGGGC	CGCCGAGAIYIY	3100
CGGGCCAGCG	CCAACCIYGGC	CGCCACCAAG	AIYGAGCGAGIY	GCGIYGCYGGG	3150
CCAGAGCAAG	CGGGYGGACIY	YCIYCGGCAA	GGGCIYACCAC	CIYGAIYGAGCIY	3200
YIYCCCCAGAG	CGCACCCAC	GGAGYGGIYIY	YCCIYGCACGIY	GACCIYACGIYIY	3250
CCCGCCAGG	AGAAGAACIYIY	CACCACCGCC	CCAGCCAIYCIY	GCCACGACGG	3300
CAAGGCCAC	YIYIYCCCCGGG	AGGGCGIYGIYIY	CGYGAGCAAC	GGCACCCACIY	3350
GGYIYCGIYGAC	CCAGCGGAAC	YIYCIYACGAGC	CCAGAIYCIY	CACCACCGAC	3400
AACACCIYIYCG	YGAGCGGCAA	CIYGCGACGIYIY	GIYGAIYCGGCA	YCGYGAACAA	3450
CACCGIYGIYAC	GAIYCCCCIYGC	AGCCCCAGCIY	GGACAGCIYIY	AAGGAGGAGC	3500
YGGACAAGYA	CIYIYCAAGAIY	CACACCAGCC	CCGACGIYGGA	CCYGGGCGAC	3550
AIYCAGCGGCA	YCAACGCCAG	CGYGGYGAAC	AIYCCAGAAGG	AGAIYCGAIYCG	3600
GCYGAACGAG	GIYGGCCAAGA	ACCIYGAACGA	GAGCCIYGAIY	GACCIYGCAGG	3650
AGCIYGGGCAA	GIYACGAGCAG	YACAIYCAAGIY	GGCCCIYGGYA	CAIYCIYGGCIYIY	3700
GGCIYIYCIYCG	CCGGCCCIYGAIY	CGCCAIYCGIYIY	AIYGGYACCA	YCIYCIYGIYIY	3750
CIYGCAIYAGCC	AGCIYGCYGA	GCYGCCYGAA	GGGCIYGIYIYGC	AGCIYCGGCA	3800
GCYGCYGCAA	GIYIYCGACGAG	GACGACAGCG	AGCCCGIYGCY	GAAGGGCGIYIY	3850

AAGCYGCACY	ACACCYGAYA	AYAGGCYGGA	GCCYCGGYGG	CCYAGCYICY	3900
YGCCCCYYGG	GCCYCCCCCC	AGCCCCYCCY	CCCCYYCCYG	CAAAGAGAAA	3950
GAAAYAAAGA	AAGAAAGYGG	YCYYYGAAAYA	AAGYCYGAGY	GGGCGGCAAA	4000
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	4050
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAYCY	4100
AG					4102

A = アデノシン ; C = シチジン ; G = グアノシン ; Y = N¹-メチルシュードウリジン

1-3 : 5'キャップ構造部分

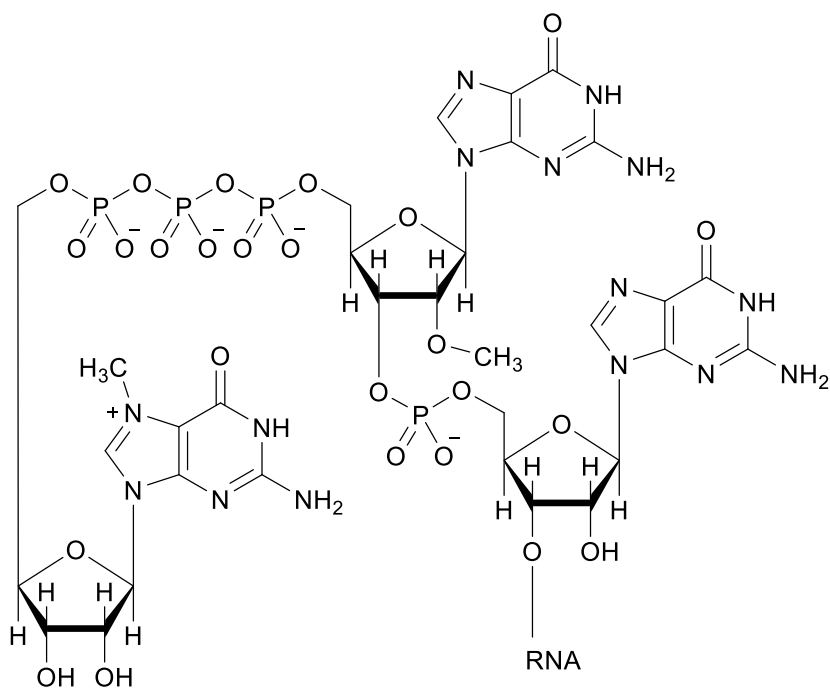
4-58 : 5'非翻訳領域

59-3874 : 翻訳領域 (59-61 : 開始コドン ; 62-94 : SARS-CoV-2 スパイクタンパク質のシグナルペプチド ; 3866-3874 : 終止コドン)

3875-3997 : 3'非翻訳領域 (3875-3942, 3967-3997 : ヒトαグロビン遺伝子3'非翻訳領域由来の配列 ; 3943-3966 : アンデュソメランの同定および相対含量評価のための配列)

3998-4097 : ポリ A 転写スリップ

5'キャップ構造部分



アンデュソメランは、SARS-CoV-2のXBB.1.5系統の変異株（オミクロン株）のスパイクタンパク質類縁体（K982P, V983P）全長をコードするmRNAである。アンデュソメランは、5'キャップ構造及びポリA配列を含み、全てのウリジン残基がN¹-メチルシュードウリジン残基に置換された、4102個のヌクレオチド残基からなる1本鎖RNAである。

Andusomeran is a mRNA encoding full length of spike protein analog (K982P, V983P) of SARS-CoV-2 (Omicron variant, XBB.1.5). Andusomeran is a single-stranded RNA consisting of 4102 nucleotide residues including the 5' cap structure and poly A sequence in which all uridine residues are replaced by N¹-methylpseudouridine residues.

※ JAN 以外の情報は、参考として掲載しました。